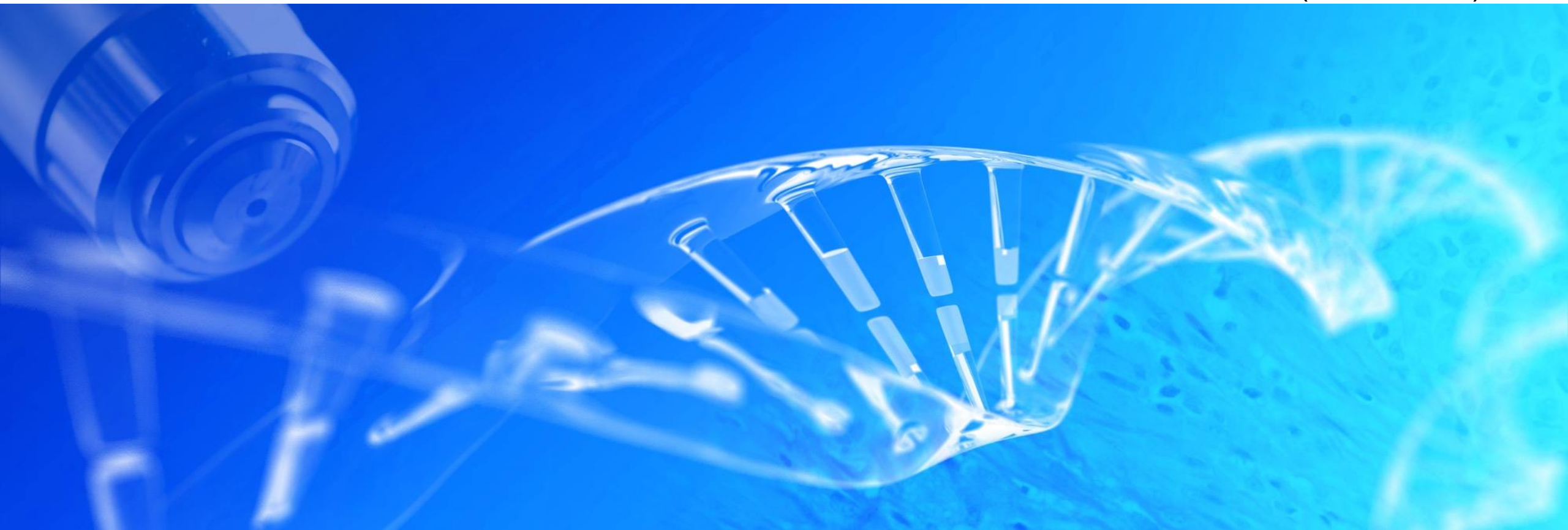


# Génotypes – Campagne 2025

Modules Ovaire, HRD et Transcrits de Fusion

v.1 (12/02/2026)



# EEQ 2025 - Génotypes

- **Information préalable:**

- La fréquence allélique (FA) figure à titre indicatif dans les tableaux de résultats
- Les génotypes d'autres gènes détectés ainsi que la méthylation de BRCA1 et RAD51C figurent dans le tableau de résultats uniquement à titre indicatif et ne sont pas comptabilisés dans le score total.

# EEQ 2025 – Module Ovaire, avec statut HRD

	25-Ovaire-01	25-Ovaire-02 **	25-Ovaire-03	25-Ovaire-04	25-Ovaire-05	25-Ovaire-06
<b>Cellularité tumorale</b>	70%	80%	50%	50%	20%	65%
<b>BRCA1</b> (NM_007294.4)	WT	WT	WT	WT	c.3481_3491del p.(Glu1161PhefsTer3) <b>FA:65%</b>	c.5266dup p.(Gln1756ProfsTer74) <b>FA:90%</b>
<b>BRCA2</b> (NM_000059.4)	WT	WT	c.4684C>T p.(Gln1562Ter) <b>FA:65%</b>	WT	WT	WT
<b>TP53</b> (NM_000546.6)	c.734G>A p.(Gly245Asp) <b>FA:45%</b>	c.930del p.(Asn310fs) <b>FA:35%</b>	c.524G>A p.(Arg175His) <b>FA:50%</b>	c.517G>T p.(Val173Leu) <b>FA:25%</b>	c.1024C>T p.(Arg342Ter) <b>FA:30%</b>	c.916C>T p.(Arg306Ter) <b>FA:80%</b>
<b>Statut HRD</b>	positif	positif	positif	positif	positif	positif
<b>RAD51C</b> (NM_058216.3)	c.1026+5_1026+7del <b>FA:80%</b>	WT	WT	WT	WT	WT
<b>Méthylation RAD51C</b>	négatif	négatif	négatif	négatif	négatif	négatif
<b>Méthylation BRCA1</b>	négatif	positif	négatif	positif	négatif	négatif

\*\* Échantillon éducatif, non comptabilisé dans le score de Génotype

# EEQ 2025 – Module Transcrits de Fusion

	25-Fusion-01	25-Fusion-02	25-Fusion-03	25-Fusion-04
<b>Cellularité tumorale</b>	40%	60%	90%	20%
<b>Tissus</b>	Poumon	Poumon	Poumon	Colon
<b>Statut <i>ALK</i></b>	WT	WT	<i>EML4::ALK v3</i> FA:20%	WT
<b>Statut <i>ROS1</i></b>	<i>SDC4::ROS1</i> FA:30%	WT	WT	WT
<b>Statut <i>NTRK1/2/3</i></b>	WT	WT	WT	<i>ETV6::NTRK3</i> FA: 10%
<b>Statut <i>RET</i></b>	WT	<i>KIF5B::RET</i> FA: 30%)	WT	WT



## Contacts

[secretariat@genetiss.org](mailto:secretariat@genetiss.org)

+33 (0)3 88 12 81 41

