



Plateforme d'Évaluation Externe de la Qualité

Guide de l'Utilisateur

1.	CONNEXION A QUALYTEST	2
2.	DESCRIPTION DE L'INTERFACE.....	3
3.	PARTICIPER A UN MODULE SUR QUALYTEST.....	4
3.1.	SAISIR LES RESULTATS D'ANALYSE	4
3.2.	VISUALISER LES REPONSES	7
4.	MOT DE PASSE	8
4.1.	MODIFICATION DU MOT DE PASSE	8
4.2.	MOT DE PASSE OUBLIE	9
5.	ANONYMAT ET CONFIDENTIALITE	9

1. Connexion à Qualytest

Vous pouvez vous connecter à Qualytest :

- soit directement via le lien <https://app.qualytest.fr>
- soit en sélectionnant « Se connecter » à partir de la page d'accueil du site web Gen&Tiss (<https://www.genetiss.org>)



Vous serez alors redirigé(e) vers la plateforme Qualytest, pour saisir vos identifiants de connexion (ceux-ci vous ont été envoyés via courriel par secretariat@genetiss.org)

Le mot de passe peut être modifié selon votre convenance dès votre première connexion (se référer à la section 4 de ce guide)

Note : A compter de septembre 2025, la plateforme Qualytest remplace l'ancienne plateforme EQA. Vous pouvez cependant toujours consulter vos résultats aux campagnes précédentes en sélectionnant « Archives » à partir de la page d'accueil du site Gen&Tiss et vous serez redirigé(e) vers la page d'accueil du site EQA (<https://www.eqascheme.org/login>).

2. Description de l'interface

La navigation dans Qualytest s'effectue à partir du menu situé à gauche de l'écran, vous pouvez ainsi :

- Modifier votre mot de passe
- Vous déconnecter de la plateforme
- Accéder à « Vos modules »
- Accéder à « Modules de laboratoire »



La section « **Vos modules** » correspond aux modules souscrits à titre individuel (exemple : Évaluation individuelle & Formation à l'interprétation des variants)

La rubrique « **Modules de laboratoire** » liste les modules d'EEQ auxquels le laboratoire est inscrit ainsi que le statut de participation du laboratoire.

La participation à un module peut avoir différents statuts en fonction de votre avancement :

Recherche libre...				
4 élément(s)				
CODE	Campagne	MODULES	PROGRAMME	STATUT
2025-GCI-KRAS	GENETISS 2025	Méthodes ciblées par gène - KRAS Ouvert	gen&tiss	Inscrit
2025-GCI-BRAF	GENETISS 2025	Méthodes ciblées par gène - BRAF	gen&tiss	Non participant
2025-GCI-EGFR	GENETISS 2025	Méthodes ciblées par gène - EGFR Ouvert	gen&tiss	En cours
2025-GMU	GENETISS 2025	Analyse multiparamétrique sur tissus (NGS) - côlon, poumon, mélanome Ouvert	gen&tiss	Complété
Afficher		50	éléments	< 1 >

Statut	Signifie
Inscrit	Vous êtes inscrit(e) et vous n'avez pas encore commencé à saisir vos réponses
En cours	Vous avez ouvert le formulaire et/ou complété certaines questions du formulaire. Vos réponses restent modifiables jusqu'à la date de clôture du module.
Complété	Vous avez soumis vos réponses définitivement. Elles ne sont plus modifiables.
Non participant	Le module est clos et vous n'avez pas soumis vos réponses avant la date de clôture.

3. Participer à un module sur Qualytest

3.1. Saisir les résultats d'analyse

Dès qu'un module est affiché avec le statut « Ouvert », vous pouvez y répondre en cliquant sur le nom du module

Vos modules de laboratoire

Recherche libre...

6 élément(s)

CODE	Campagne	MODULES	PROGRAMME	STATUT
2025-GMU	GENETISS 2025	Analyse multiparamétrique sur tissus (NGS) - colon, poumon, mélanome	gen&tiss	Ouvert
2025-GCI-KRAS	GENETISS 2025	Méthodes ciblées par gène - KRAS	gen&tiss	Ouvert
2025-GOV	GENETISS 2025	Ovaire - BRCA1/BRCA2	gen&tiss	Ouvert
2025-GCI-NRAS	GENETISS 2025	Méthodes ciblées par gène - NRAS	gen&tiss	Ouvert
2025-GCI-MLH1/MSI	GENETISS 2025	Méthodes ciblées par gène - MSI et méthylation MLH1	gen&tiss	Ouvert
2025-GCI-BRAF	GENETISS 2025	Méthodes ciblées par gène - BRAF	gen&tiss	Ouvert

Afficher 50 éléments

Une nouvelle fenêtre s'ouvre affichant les informations du module et vous pouvez commencer à saisir vos résultats d'analyse en cliquant sur « Démarrer la saisie »

Analyse multiparamétrique sur tissus (NGS) - colon, poumon, mélanome

GENETISS 2025
2025-GMU gen&tiss

Informations Répondre

OBJECTIF :

Ce module permet d'évaluer plusieurs marqueurs en parallèle sur le même échantillon favorisant l'étude du génotype complet et l'analyse des variants ayant un impact médical. Il comporte 10 échantillons tissulaires : 3 échantillons de colon, 3 échantillons de mélanome, et 3 échantillons de poumon ainsi qu'un échantillon éducatif.

Les gènes à analyser sont : EGFR, KRAS, NRAS, BRAF, KIT et PIK3CA. Tous les exons comportant des mutations activatrices connues doivent impérativement être couverts.

DÉROULEMENT :

L'analyse des échantillons doit être réalisée selon la procédure de routine du laboratoire et dans les mêmes conditions que les échantillons de routine pour être au plus proche possible des conditions réelles.

Les évaluations de performances portent sur les scores de génotype des 9 échantillons (25-MULTI-Q1 à 25-MULTI-Q9) ainsi que sur le score de compte-rendu du premier cas (25-MULTI-Q1).

Ce cas est accompagné d'une prescription fictive permettant de générer un compte-rendu qui doit être anonymisé au mieux, en masquant les en-têtes de la structure et les noms des pathologistes / biologistes.

La participation est validée par un score total de génotypage supérieur ou égal à 18/20. Les résultats de génotypage de l'échantillon éducatif ne sont pas pris en compte dans la notation globale du génotype.

Vos réponses

Vous n'avez pas encore complété ce formulaire

Démarrer la saisie

Le formulaire de saisie de résultats présente les questions selon une organisation arborescente. Au cours de la navigation, la question sur laquelle vous vous trouvez est indiquée en violet. Les questions marquées par un astérisque rouge (*) sont obligatoires.

Vos réponses

1

Réception des échantillons

Résultats d'analyses et interprétations

Interprétation de variants additionnels

Informations techniques sur l'analyse moléculaire

2

25-MULTI-01

25-MULTI-02

25-MULTI-03

25-MULTI-04

25-MULTI-05

25-MULTI-06

25-MULTI-07

25-MULTI-08

25-MULTI-09

Prescription pour le compte-rendu

Ouvrir le fichier | Télécharger

N° coupe*

Cellularité tumorale (%)*

25-MULTI-01 Statut EGFR*

Non testé

Résultat non contributif

WT

Altération(s) du gène

25-MULTI-01 Statut EGFR* : Altération(s) du gène

Description de l'altération

Ajouter +

Séquence de référence (selon nomenclature HGVS)

Séquence de référence (selon nomenclature HGVS)

Fréquence allélique (%)*

Génotype

25-MULTI-01 Statut KRAS*

Si vous avez détecté plusieurs altérations d'un même gène, vous pouvez renseigner les caractéristiques de chaque altération. Après avoir saisi les informations pour une première altération, vous cliquez sur « Ajouter + » afin d'ouvrir un nouvel onglet permettant la saisie des caractéristiques d'une autre altération.

25-MULTI-01

25-MULTI-02

25-MULTI-03

25-MULTI-04

Prescription pour le compte-rendu

Ouvrir le fichier | Télécharger

N° coupe*

Lorsqu'une prescription fictive est associée à un cas, vous trouverez une icône du document PDF sur la fiche du cas.

Pour consulter cette prescription, vous pouvez ouvrir directement le document dans un nouvel onglet de votre navigateur en cliquant sur « Ouvrir le fichier » ou alors télécharger le document sur votre poste en cliquant « Télécharger ».

Pour soumettre votre compte-rendu pour l'évaluation, cliquez sur le bouton « Parcourir » au bas de la page, ce qui vous permettra de transférer votre document, **uniquement au format PDF**, à partir de votre poste.

25-MULTI-01 Actionabilité & Impact thérapeutique: Interprétation du statut EGFR/KRAS dans le contexte du cancer du poumon*

☐ Sans impact thérapeutique dans l'état actuel des connaissances (ESCAT IV, ESCAT V ou ESCAT X)
☐ Avec impact thérapeutique potentiel, pouvant être discuté en RCP moléculaire (ESCAT II et ESCAT III)
☐ Avec impact thérapeutique, sensibilité et/ou résistance, associé à une prescription conditionnée dans cette pathologie (AMM ou accès précoce) (ESCAT I)
☐ Non applicable (non testé, résultat non contributif ou résultat WT)

Commentaire 25-MULTI-01

Compte-rendu pour l'échantillon 25-MULTI-01*

PARCOURIR

Enregistrer (brouillon)

Soumettre

Pour enregistrer vos réponses et y revenir plus tard, enregistrez votre saisie en mode « **Brouillon** »

Analyse multiparamétrique sur tissus (NGS) - côlon, poumon, mélanome

Ouvert 26/09/2025

GENETISS 2025 2025-GMU gen&tiss

Informations Vos réponses

Vos réponses

Voir mes réponses

Réception des échantillons Résultats d'analyses et interprétations Interprétation de variants additionnels Informations techniques sur l'analyse moléculaire

Date

Date

DD/MM/YYYY

Enregistrer (brouillon)

Soumettre

Pour valider définitivement vos réponses cliquez sur « **Soumettre** ». Veuillez noter que **lorsque vous décidez de soumettre, il n'y aura plus possibilité de modifier votre saisie.**

3.2. Visualiser les réponses

En cliquant sur « **Voir mes réponses** » vous obtenez une vue synthétique de votre saisie.

Analyse multiparamétrique sur tissus (NGS) - côlon, poumon, mélanome

GENETISS 2025
2025-GMU
gen&tiss

Ouvert
26/09/2025

Informations
Vos réponses

Vos réponses

Voir mes réponses

Réception des échantillons
Résultats d'analyses et interprétations
Interprétation de variants additionnels
Informations techniques sur l'analyse moléculaire

Date

Date
DD/MM/YYYY

Vos réponses

Voir mes réponses

Résultats d'analyses et interprétations

25-MULTI-01

N° coupe*
Réponse demandée

Cellularité tumorale (%) *
Réponse demandée

25-MULTI-01 Statut EGFR*
WT

25-MULTI-01 Statut KRAS*
WT

25-MULTI-01 Statut NRAS*
WT

25-MULTI-01 Statut BRAF*
WT

25-MULTI-01 Statut KIT*
WT

25-MULTI-01 Statut PIK3CA*
Réponse demandée

25-MULTI-01 Statut Microsatellites*
Réponse demandée

25-MULTI-01 Pathogénicité: Interprétation du statut EGFR/KRAS dans le contexte du cancer du poumon*
Variant bénin

25-MULTI-01 Actionabilité & Impact thérapeutique: Interprétation du statut EGFR/KRAS dans le contexte du cancer du poumon*
Sans impact thérapeutique dans l'état actuel des connaissances (ESCAT IV, ESCAT V ou ESCAT X)

Compte-rendu pour l'échantillon 25-MULTI-01*
Réponse demandée

Les questions obligatoires auxquelles vous n'auriez pas encore répondu sont indiquées sur fond rouge. Vous pouvez directement cliquer sur ces champs pour saisir votre réponse.

Lorsque vous quittez le formulaire de saisie après avoir enregistré vos réponses, l'onglet « Informations » vous présente une vue synthétique des réponses saisies, qu'elles soient enregistrées en mode « Brouillon » ou soumises définitivement.

Analyse multiparamétrique sur tissus (NGS) - côlon, poumon, mélanome

GENETISS 2025
2025-GMU **gen&tiss**

Ouvert 26/09/2025

Informations Vos réponses

OBJECTIF :

Ce module permet d'évaluer plusieurs marqueurs en parallèle sur le même échantillon favorisant l'étude du génotype complet et l'analyse des variants ayant un impact médical. Il comporte 10 échantillons tissulaires : 3 échantillons de côlon, 3 échantillons de mélanome, et 3 échantillons de poumon ainsi qu'un échantillon éducatif.

Les gènes à analyser sont : EGFR, KRAS, NRAS, BRAF, KIT et PIK3CA. Tous les exons comportant des mutations activatrices connues doivent impérativement être couverts.

DÉROULEMENT :

L'analyse des échantillons doit être réalisée **selon la procédure de routine** du laboratoire et dans les mêmes conditions que les échantillons de routine pour être au plus proche possible des conditions réelles.

Les évaluations de performances portent sur les scores de génotypage des 9 échantillons (25-MULTI-01 à 25-MULTI-09) ainsi que sur le score de compte-rendu du premier cas (25-MULTI-01). Ce cas est accompagné d'une prescription fictive permettant de générer un compte-rendu qui doit être anonymisé au mieux, en masquant les en-têtes de la structure et les noms des pathologistes / biologistes.

La participation est validée par un score total de génotypage supérieur ou égal à 18/20. Les résultats de génotypage de l'échantillon éducatif ne sont pas pris en compte dans la notation globale du génotype.

Vos réponses

Résultats d'analyses et interprétations

25-MULTI-01

25-MULTI-01 Statut EGFR*: **WT**

25-MULTI-01 Statut KRAS*: **WT**

25-MULTI-01 Statut NRAS*: **WT**

25-MULTI-01 Statut BRAF*: **WT**

25-MULTI-01 Statut KIT*: **WT**

Analyses supplémentaires: **Non**

25-MULTI-01 Statut Microsatellites*: **Microsatellites Stables (MSS)**

25-MULTI-01 Pathogénicité: Interprétation du statut EGFR/KRAS dans le contexte du cancer du poumon*: **Variant bénin**

25-MULTI-01 Actionabilité & Impact thérapeutique: Interprétation du statut EGFR/KRAS dans le contexte du cancer du poumon*: **Sans impact thérapeutique dans l'état actuel des connaissances (ESCAT IV, ESCAT V ou ESCAT X)**

Compte-rendu pour l'échantillon 25-MULTI-01*:
Ouvrir le fichier | Télécharger

4. Mot de passe

4.1. Modification du mot de passe

Vous pouvez modifier votre mot de passe à tout moment depuis votre espace personnel Qualytest. Pour cela, une fois connecté(e), cliquez sur « Modifier le mot de passe » sous votre nom. Dans la fenêtre qui apparaît, saisissez votre mot de passe actuel puis le nouveau mot de passe choisi, en suivant les recommandations de sécurité, confirmez-le et enregistrez.

Mot de passe actuel *

Nouveau mot de passe *

Confirmer le nouveau mot de passe *

✓ **Modifier le mot de passe**

Mot de passe actuel *

Nouveau mot de passe *

Force du mot de passe : **Fort**

- ✓ Au moins 8 caractères
- ✓ Une majuscule (A-Z)
- ✓ Une minuscule (a-z)
- ✓ Un chiffre (0-9)
- ✓ Un caractère spécial (!@#\$...)
- ✓ Mot de passe sécurisé !

Confirmer le nouveau mot de passe *

✓ **Modifier le mot de passe**

4.2. Mot de passe oublié

Si vous avez oublié votre mot de passe, cliquez sur « Mot de passe oublié » sur la page de connexion de Qualytest.

The screenshot shows a web form for password recovery. At the top is the Qualytest logo. Below it, the heading 'Mot de passe oublié ?' is centered. A subtext reads: 'Saisissez votre adresse email et nous vous enverrons un lien pour réinitialiser votre mot de passe.' There is a label 'Adresse email' above a text input field containing the placeholder 'Saisissez votre adresse email'. Below the input field is a blue button labeled 'Envoyer le lien de réinitialisation'. At the bottom of the form is a link 'Retour à la connexion'.

Un email indiquant la procédure à suivre vous sera adressé.

5. Anonymat et confidentialité

La plateforme Qualytest respecte l'anonymat. Bien que vous vous connectiez avec vos identifiants personnels, seul le numéro d'anonymat est connu des évaluateurs et utilisé dans les rapports de résultats :

- le numéro d'anonymat du laboratoire est associé aux résultats de laboratoire
- le numéro d'anonymat individuel est associé uniquement à la participation au module « Évaluation individuelle & formation à l'interprétation des variants »

Pour toute demande de support, le personnel administratif de Gen&Tiss peut être sollicité. Il est le seul dépositaire de votre anonymat.